

SEQUENCE LISTING

<110> Wickstrom, Eric
Thakur, Mathew

<120> Compounds and Methods for Diagnostic
Imaging and Therapy

<130> 08321-0128 US1

<160> 55

<170> FastSEQ for Windows Version 4.0

<210> 1

<211> 31

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 1

tgccctgact ttcaactctg tctccttct c 31

<210> 2

<211> 35

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 2

ccagacctaa gagcaatcag tgaggaatca gaggc 35

<210> 3

<211> 31

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 3

gttatctctt aggttggtc tgactgtacc a 31

<210> 4

<211> 31

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 4

gtggatgggt agtagtatgg aagaaatcgg t 31

<210> 5
 <211> 31
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 5
 ggtaggacct gatttcctta ctgcctcttg c 31

 <210> 6
 <211> 31
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 6
 gataaaagtg aatctgaggc ataactgcac c 31

 <210> 7
 <211> 35
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 7
 tgggtggagta tttgatagtg tattaacctt atgtg 35

 <210> 8
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 8
 agagaaacct ttatctgata tcaaagaatg gtcttg 36

 <210> 9
 <211> 32
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 9
 tgaagtaaaa ggtgcactgt aataatccag ac 32

 <210> 10

<211> 35
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 10
 taatgtcagc ttattatatt caatttaaac ccacc 35

 <210> 11
 <211> 22
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 11
 gcacatgacg gaggttgtga gg 22

 <210> 12
 <211> 23
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 12
 gcacatgacg gaggttgtga ggc 23

 <210> 13
 <211> 24
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 13
 gcacatgacg gaggttgtga ggcg 24

 <210> 14
 <211> 21
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 14
 cagcgctcat ggtggggggc a 21

 <210> 15
 <211> 22
 <212> DNA

<213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Primer
 <400> 15
 cagcgctcat ggtggggggc ag 22
 <210> 16
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Primer
 <400> 16
 gtaacagttc ctgcatgggc 20
 <210> 17
 <211> 21
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Primer
 <400> 17
 gtaacagttc ctgcatgggc g 21
 <210> 18
 <211> 22
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Primer
 <400> 18
 gtaacagttc ctgcatgggc gg 22
 <210> 19
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Primer
 <400> 19
 cctgcatggg cggcatgaac 20
 <210> 20
 <211> 21
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Primer

 <400> 20
 cctgcatggg cggcatgaac c 21

 <210> 21
 <211> 22
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 21
 cctgcatggg cggcatgaac cg 22

 <210> 22
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 22
 gtgatgatgg tgaggatggg 20

 <210> 23
 <211> 21
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 23
 gtgatgatgg tgaggatggg c 21

 <210> 24
 <211> 22
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 24
 gtgatgatgg tgaggatggg cc 22

 <210> 25
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

<400> 25	
gacggaacag ctttgaggtg	20
<210> 26	
<211> 21	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 26	
gacggaacag ctttgaggtg c	21
<210> 27	
<211> 22	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 27	
gacggaacag ctttgaggtg cg	22
<210> 28	
<211> 20	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 28	
gtgcctgtcc tgggagagac	20
<210> 29	
<211> 21	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 29	
gtgcctgtcc tgggagagac c	21
<210> 30	
<211> 22	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 30	

gtgcctgtcc tgggagagac cg	22
<210> 31	
<211> 20	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 31	
aacttgtggt agttggagct	20
<210> 32	
<211> 21	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 32	
aacttgtggt agttggagct g	21
<210> 33	
<211> 4	
<212> PRT	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Linking moiety	
<400> 33	
Gly Gly Gly Gly	
1	
<210> 34	
<211> 22	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 34	
aacttgtggt agttggagct gg	22
<210> 35	
<211> 20	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 35	

gtcaaggcac tcttgacctac	20
<210> 36	
<211> 21	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 36	
gtcaaggcac tcttgacctac g	21
<210> 37	
<211> 22	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 37	
gtcaaggcac tcttgacctac gc	22
<210> 38	
<211> 20	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 38	
atattctcga cacagcaggt	20
<210> 39	
<211> 21	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 39	
atattctcga cacagcaggt c	21
<210> 40	
<211> 22	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 40	
atattctcga cacagcaggt ca	22

<210> 41
<211> 4
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Targeting moiety

<400> 41
Cys Ser Lys Cys
1

<210> 42
<211> 12
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 42
ccgcttcctt tc 12

<210> 43
<211> 12
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> K-RAS antisense

<400> 43
gccaacagct cc 12

<210> 44
<211> 12
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> K-RAS mismatch

<400> 44
gccttggtgct cc 12

<210> 45
<211> 12
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> cyclin D1 antisense

<400> 45
ctgggtgttcc at 12

<210> 46
<211> 12
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> cyclin D1 mismatch

<400> 46
ctggacaacc at 12

<210> 47
<211> 12
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> ERBB2 antisense

<400> 47
catggtgctc ac 12

<210> 48
<211> 12
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> ERBB2 mismatch

<400> 48
catgcacttc ac 12

<210> 49
<211> 12
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> c-MYC antisense

<400> 49
gcatcgctgc gg 12

<210> 50
<211> 12
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> c-MYC mismatch

<400> 50
gcatgtctgc gg 12

<210> 51
<211> 12

<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> p53 antisense

<400> 51
ccccctggct cc

12

<210> 52
<211> 12
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> p53 mismatch

<400> 52
cccctaccct cc

12

<210> 53
<211> 105
<212> PRT
<213> homo sapiens

<400> 53
Gly Pro Glu Thr Leu Cys Gly Ala Glu Leu Val Asp Ala Leu Gln Phe
1 5 10 15
Val Cys Gly Asp Arg Gly Phe Tyr Phe Asn Lys Pro Thr Gly Tyr Gly
20 25 30
Ser Ser Ser Arg Arg Ala Pro Gln Thr Gly Ile Val Asp Glu Cys Cys
35 40 45
Phe Arg Ser Cys Asp Leu Arg Arg Leu Glu Met Tyr Cys Ala Pro Leu
50 55 60
Lys Pro Ala Lys Ser Ala Arg Ser Val Arg Ala Gln Arg His Thr Asp
65 70 75 80
Met Pro Lys Thr Gln Lys Glu Val His Leu Lys Asn Ala Ser Arg Gly
85 90 95
Ser Ala Gly Asn Lys Asn Tyr Arg Met
100 105

<210> 54
<211> 13
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> D-peptide homolog of IGF1

<400> 54
Gly Cys Ser Lys Ala Pro Lys Leu Pro Ala Ala Leu Cys
1 5 10

<210> 55
<211> 12

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> D-peptide homolog of IGF1

<400> 55

Cys	Ser	Lys	Ala	Pro	Lys	Leu	Pro	Ala	Ala	Tyr	Cys
1				5				10			